

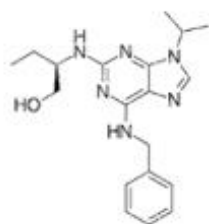
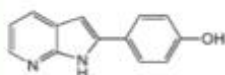


ChemBioFrance



**6^{èmes} Journées de la
Chimiothèque Nationale -**

ChemBioFrance



ROSCOFF



Lundi 26 - mardi 27 - mercredi 28 Mai 2025



© Benjamin Rivière, EESAB

Table des matières

- **Bienvenue à Roscoff**
- **Les comités d'organisation**
- **Plans**
- **Programme**
- **Arrivée à Roscoff et contacts**
- **Nos Soutiens et Sponsors**
- **Liste des participants**

Bienvenue à Roscoff

Degemer mad!



Porteur d'innovations, de performance et de solidarité, le Finistère est une terre de réseaux qui sait accueillir, accompagner et développer ceux qui y passent ou s'y installent. Ainsi, la Petite Cité de Caractère® de Roscoff située sur la côte nord de la Bretagne figure parmi les villes, dynamisant l'attractivité du territoire. Elle est reconnue depuis le 19^{ème} siècle pour ses activités de pêche et son commerce avec l'Angleterre notamment pour l'exportation de ses fameux oignons roses. Aujourd'hui Roscoff est réputée internationalement pour héberger la **Station Biologique** (SBR), fondée en 1872 par le Professeur Henri de Lacaze-Duthiers, père de la zoologie expérimentale, ce qui en fait une des plus anciennes stations marines au monde. Ce centre de recherche et d'enseignement en biologie et écologie marines accueille depuis plus de 150 ans chercheurs et étudiants de tous pays pour analyser les écosystèmes en prise direct avec le milieu, en bassin d'expérimentations ou en laboratoires. La SBR dispose également d'infrastructures d'accueil performantes face à l'île de Batz ouvertes aux chercheurs français et internationaux pour l'organisation de congrès ou colloques scientifiques.

Depuis plus de 30 années la Station Biologique de Roscoff est impliquée dans la caractérisation, par criblage, d'inhibiteurs de protéines kinases. Ce projet est à présent porté par la plateforme KISSf (*Kinase Inhibitor Specialized Screening facility*) qui est membre du pilier criblage de ChemBioFrance. Ainsi c'est avec un grand plaisir que nous vous accueillons ici **pour les 6^{èmes} Journées de la Chimiothèque Nationale – ChemBioFrance.**

Valérie, Blandine*, Frédéric, Stéphane*, Thomas* et Kiet
Le comité d'organisation des JCBF Roscoff 2025

* les locaux (KISSf)

Comité scientifique des JCBF 2025

	Prénom	Nom	Statut	Unité, Lieu
Mme	Florence	Mahuteau-Betzer	Directrice du GIS ChemBioFrance	Institut Curie Orsay
M.	Pascal	Bonnet	Responsable de la Chimiothèque Nationale	ICOA Orléans
Mme	Priscille	Brodin	Responsable pilier Criblage	CIIL Lille
Mme.	Dominique	Douguet	Responsable pilier Chemoinformatique	IPMC Nice
M.	Bruno	Figadère	Responsable pilier Chimiothèque	BioCIS Orsay
M.	Didier	Rognan	Responsable pilier Chemoinformatique	LIT Illkrich
M.	Kiet	Tran	Directeur de l'USCBF-CN	USCBF-CN Montpellier
M.	Pascal	Villa	Responsable pilier Criblage	PCBIS Illkrich

Comité d'organisation des JCBF Roscoff 2025

	Prénom	Nom	Statut	Unité, Lieu
M.	Frédéric	Assié	Ingénieur Informatique	USCBF-CN Montpellier
M	Stéphane	Bach	Responsable scientifique de la plateforme KISSf	Plateforme KISSf Roscoff
Mme	Blandine	Baratte	Ingénieur Biologiste	Plateforme KISSf Roscoff
Mme	Valérie	Le Toullec	Gestion et pilotage	USCBF-CN Montpellier
M.	Thomas	Robert	Responsable Technique de la plateforme de criblage KISSf	Plateforme KISSf Roscoff
M.	Kiet	Tran	Directeur de l'USCBF- CN	USCBF-CN Montpellier

Plans

Bienvenue !



A Salle de conférence
Accès escalier
Place Georges Teissier



B Hôtel de France
Hébergement et salles de réunion
Rue Edouard Corbière



C Gulf Stream
Hôtel – Restaurant
400 rue Marquise de Kergariou



CNRS • SORBONNE UNIVERSITÉ
**Station Biologique
de Roscoff**

SERVICE ACCUEIL ET CENTRE DE CONFÉRENCES



Programme



LUNDI 26 MAI

16:00	Réunion Eu-FNACC	Réunion Eu-FNACC : réservée aux membres du Comité Exécutif ChemBioFrance et partenaires européens Salle de réunion (Hôtel de France, B, HDF3)
19:30	Diner	Restaurant CNRS "Le Gulf Stream"

MARDI 27 MAI

09:00 - 10:00	Ateliers CBF <i>Possibilité de suivre 2 sessions: La 1^{ère} de 09:00 à 10h00 La 2^{de} de 10:45 à 11:45</i>	- Atelier "Hit to lead" animé par Didier Rognan Salle de réunion (Hôtel de France, B, HDF3) - Atelier "exploitation des résultats de criblage" animé par Pascal Villa Salle de conférence Roscoff, A (auditorium Jean Painlevé) - Atelier "IA et médicaments" animé par Dragos Horvath Salle de réunion (Hôtel de France, B, HDF2) - Réunion entre la direction de ChemBioFrance et les partenaires Européens Salle de réunion (Hôtel de France, B, HDF1)
10:05 - 10:45	Pause café	Session Stand Sponsors
12:00 - 13:20	Déjeuner	Restaurant CNRS "Le Gulf Stream"
13:30 - 14:30	Stands sponsors	Hall de la Salle de conference, A
14:30 - 15:00	session communications Flash com	Salle de conférence Roscoff, A (auditorium Jean Painlevé)
15:00 - 17:30	3 conférences invitées	Salle de conférence Roscoff, A (auditorium Jean Painlevé) - Claire DELEHOUZE (PhD, Directrice Scientifique - Seabelife - Roscoff) - Tâp HA-DUONG (Professeur - BioCis - Orsay) avec Hong-Toan LAI (METSY - Villejuif) - Nouredine KHIAR (Professeur, Laboratoire de chimie IIQ Séville - Espagne)
16:00 - 17:00	Pause-café et stands sponsors	Hall de la Salle de conférence, A
19:00	Diner	Banquet (Restaurant CNRS "Le Gulf Stream")

MERCREDI 28 MAI

09:00 - 11:00	Assemblée Générale du GIS ChemBioFrance	Salle de Conférence, A
11:00 - 11:30	Restitution des ateliers	Salle de Conférence, A
11:30 - 11:35	Clôture	Salle de Conférence, A

Conférence n°1

Dr. Claire DELEHOUZE

Directrice Scientifique Seabelife – Roscoff

E-mail : claire.delehouze@seabelife.com

Criblage d'inhibiteurs de morts cellulaires régulées nécrotiques à visée thérapeutique.

La mort cellulaire programmée a été décrite pour la première fois dans les années 1970 avec l'identification de l'apoptose, un processus fondamental ayant conduit à d'importants progrès thérapeutiques, notamment en cancérologie. Au cours des deux dernières décennies, de nouvelles voies de mort cellulaire régulée, distinctes de l'apoptose et appartenant aux nécroses régulées, ont été mises en évidence. Parmi elles, la nécroptose et la ferroptose suscitent un intérêt croissant en raison de leur rôle dans de nombreuses pathologies humaines, incluant les maladies neurodégénératives, ainsi que les insuffisances hépatiques et rénales. L'étude approfondie de ces mécanismes a ouvert la voie à une approche thérapeutique innovante : le développement d'inhibiteurs spécifiques de la mort cellulaire nécrotique régulée, offrant ainsi de nouvelles opportunités pour le traitement de pathologies complexes jusqu'alors difficiles à prendre en charge.

Conférence n°2

Pr. Tập HA-DUONG

BioCis – Orsay

E-mail : tap.ha-duong@universite-paris-saclay.fr

Hong-Toan LAI

METSY – Villejuif

E-mail : Hongtoan.LAI@gustaveroussy.fr

M30-E05, a flavonoid from the French national chemical library targeting the mitochondrial AIF/CHCHD4 complex for anticancer treatment

Oncogenic metabolism depends on bidirectional inter-organelle communication between the mitochondria and the nucleus. The mitochondrial protein complex composed of apoptosis-inducing factor (AIF) and coiled-coil-helix-coiled-coil-helix domain-containing protein 4 (CHCHD4) is essential for the mito-nuclear communication. This complex functions as an import pathway for certain cysteine-enriched nuclear proteins, thereby playing a critical role in adapting the mitochondrial proteome to meet energy demands and maintain cellular homeostasis.

Here, we describe the discovery by a screening approach and the synthesis of M30-E05, a compound that binds to the NADH pocket of AIF, preventing its dimerization and disrupting the AIF/CHCHD4 complex, as demonstrated by molecular docking and gel electrophoresis analysis of mitochondrial AIF/CHCHD4 substrates.

In cancer cells, M30-E05 modulates inter-organelle communication and affects the mitochondrial expression of nucleus-encoded proteins such as AIF, CHCHD4, COX17, and MICU1. Additionally, M30-E05 fragments the mitochondrial network and impairs mitochondrial respiration, leading to profound alterations in particular in lipid metabolism, as revealed by Seahorse and mass spectrometry analyses. Moreover, M30-E05 significantly reduces the viability of a panel of human adult and pediatric cancer cell lines, as well as six osteosarcoma patient-derived xenograft (PDX) secondary cultures, in the micromolar range, inducing apoptosis with a limited toxicity to human normal cells. When administered by gavage for two weeks to immunodeficient NSG mice, M30-E05 induced a 41% partial tumor regression in a subcutaneous PDX xenograft model without inducing toxicity. We anticipate that M30-E05, as a first-in-class metabolic inhibitor, could serve as the lead compound for developing a novel therapeutic strategy for treating both pediatric and adult cancer patients.

Conférence n°3

Pr. Nouredine KHIAR

Asymmetric Synthesis and Functional Nanosystem Group (Ar&Fun). Institute for Chemical Research (IIQ), CSIC-University of Seville, 41092 Sevilla, Spain.

E-mail : khlar@iiq.csic.es

Sulfur Meets Sugar: From Molecular Design to Functional Glyco-Nanomaterials

Carbohydrates are essential biopolymers in nature, not only serving as structural elements and energy sources,¹ but also playing pivotal roles in a wide range of biological processes including cell proliferation, communication, differentiation, adhesion, immune response, infection, and tumor progression. A defining characteristic of carbohydrate-mediated recognition is their reliance on weak, non-covalent interactions, particularly carbohydrate–carbohydrate and carbohydrate–protein binding, which are dramatically enhanced through multivalent presentation. Mimicking this multivalency in synthetic systems has become a central goal in glyco-nanomaterials design.

At the same time, the size, shape, and surface characteristics of nanomaterials are known to critically influence their biological activity and determine their performance as smart drug delivery systems. However, achieving synthetic control over these parameters in a modular, tunable fashion remains a significant challenge.

In this talk, we will present our design strategies based on thiosugars-sulfur-modified carbohydrates that serve as powerful molecular building blocks-for the controlled synthesis of nanostructured glycomaterials. These include a diverse array of architectures such as glyconanotubes,¹ liposomes, micelles,² hydrogels,³ Metal Organic Frameworks (MOFs),⁴ and an original class of disc-shaped structures termed glyconanosomes.⁵

These nanostructures are designed to replicate the multivalent glycan display found on cell surfaces, enabling selective interactions with biological receptors. As a result, they have shown excellent behavior in colorimetric detection and selective aggregation of pathogens, support 3D-cell culture systems, and function as targeted theranostic nanocarriers for hepatic and prostate cancers.

References

¹ M. Pernía, M. Assali, J. J. Cid, V. Valdivia, J. Franco, I. Fernández, D. Pozo, N. Khlar. *Nanoscale*, **2015**, 7, 19259.

² C. Rosales-Barrios, Z. I. González-Sánchez, A. Ziuliani, J.M. Jiménez-Vacas, R. M. Luque, D. Pozo, N. Khlar. *J. Control. Rel.* **2025**, 379, 890.

³ M. Assali, J. J. Cid, I. Fernández, N. Khlar. *Chem. Mater.* **2013**, 25, 4250.

⁴ (a) C. Carrillo-Carrión, V. Comaills, A. M. Visiga, B. R. Gauthier, N. Khlar, *ACS Appl. Mater. Interfaces* **2023**, 15, 27600-27611C. (b) M. Cova, V. Ramos, A. Escudero, J. P. Holgado, N. Khlar and A. Zuliani, *Green Chem.* **2024**, 26, 11563–11575.

⁵ M. Assali, M. Pernía-Leal, J. J. Cid, M. Muñoz, I. Fernández, R. E. Wellinger, N. Khlar. *ACS Nano*, **2013**, 7, 2145.

Communication flash n°1

Mark HARDING
CDD VAULT
Toulouse, France

COMPLEMENTING THE MEDICINAL CHEMISTS' TOOLBOX WITH CLOUD BASED DEEP LEARNING MODELS

The field of drug discovery has witnessed remarkable advancements with the integration of artificial intelligence (AI) and deep learning (DL) approaches. Herein, we highlight an innovative cloud-based DL module (available within Collaborative Drug Discovery's CDD Vault®) based on technology developed by the Research Informatics Group at Collaborative Drug Discovery. We introduce the concept of Chemically Rich Vectors (CRVs), which serve as concise numerical summaries of chemical properties. CRVs allow for the reversible reconstruction of original molecules, enabling the encoding of comprehensive structural-activity information in a multi-dimensional numerical space. The introduction of CRVs greatly improved the autonomous robustness and interoperability of our DL model and can be additionally used to predict chemical properties, design new compounds, assess their retrosynthetic feasibility and query whether a commercial source is available. Based on these innovations, CDD's DL module empowers drug discovery research teams with a cutting-edge tool to perform similarity searches in the ChEMBL database, featuring ~2.5 million synthesizable compounds within the secure CDD platform.

Communication flash n°2

Inès HOANG
MedChemExpress

Chimiothèques MedChemExpress : Une Ressource Stratégique pour le Criblage et la Découverte de Médicaments

Le succès du criblage haut débit (HTS) repose sur la qualité de la chimiothèque utilisée. MedChemExpress (MCE) propose plus de 200 chimiothèques couvrant une large gamme de besoins en recherche: chimiothèques de composés bioactifs, de diversité, de fragments et bases de données pour le criblage virtuel. Avec plus de 16 millions de composés disponibles, validés par des données bioactives et physicochimiques, nos collections sont des outils essentiels pour la découverte de nouveaux candidats-médicaments et la recherche de nouvelles indications thérapeutiques. Adaptées aux plateformes HTS, HCS et VS, nos chimiothèques sont également personnalisables selon vos besoins spécifiques (choix des composés, format, taille et disposition en plaque). Découvrez comment MCE peut optimiser vos stratégies de criblage et accélérer vos avancées en recherche!

Communication flash n°3

Laurence-Olivier COUILLARD

Mayfair Village

Chemmy Lane: Votre assistant de recherche en chimie propulsé par l'IA

Grâce à une interface intuitive et à des algorithmes puissants, notre assistant vous fait gagner un temps précieux et vous aide à prendre des décisions éclairées. Rejoignez-nous pour un aperçu rapide, mais percutant, de ce que l'IA peut apporter à la recherche en chimie.!

Communication flash n°4

Thomas MARQUES
SPT Labtech

Nano Volumes, Maxi Impact: The mosquito Revolution in Chem-Bio

mosquito® by SPT Labtech is a high-precision liquid handler designed for nano-to microscale volume pipetting, ideal for chemical biology workflows. It enables assay miniaturization in 96-, 384-, and 1536-well formats, significantly reducing manual handling while preserving precious samples. Compatible with a wide range of liquid types, mosquito is a proven tool for compound screening, chemical space exploration, lead optimization, and enzyme assays—accelerating your research and lowering project costs.

Communication flash n°5

Florence LEROUX et Catherine PIVETEAU

U1177 - Drugs and Molecules for Living Systems, F-59000, Lille, France

Les plateformes lilloises ARIADNE-Criblage et ARIADNE-ADME

ARIADNE regroupe deux plateformes académiques, ARIADNE-Criblage et ARIADNE-ADME, qui travaillent de manière indépendante mais complémentaire. Leur objectif est de contribuer à la découverte de petites molécules chimiques utiles en thérapeutique ou pour explorer le vivant, et d'étudier leur biodisponibilité.

ARIADNE-Criblage rassemble des expertises et des équipements dédiés au criblage de perturbateurs biologiques tels que des siRNA ou des petites molécules chimiques. En prestation ou en accès libre, la plateforme vous accompagne dans la réalisation de vos projets. Des collaborations sont envisageables.

ARIADNE-Criblage est constituée de trois plateaux localisés dans des environnements de sécurité biologique allant du niveau 1 au niveau 3. Le plateau HTS permet de miniaturiser des essais pharmacologiques cellulaires ou non et de cribler des librairies chimiques à haut débit. Il gère une librairie de 100 000 composés chimiques. Les plateaux HCS-L2 et HCS-L3 permettent de réaliser à haut débit et à haut contenu des criblages par microscopie quantitative.

ARIADNE-ADME permet quant à elle d'étudier la biodisponibilité des molécules, par des mesures in vitro ou in vivo de paramètres ADME (Absorption, Distribution, Métabolisme, Elimination).

Les deux plateformes lilloises font parties de l'Infrastrure Nationale ChemBioFrance et sont labélisées par le Gis IBiSA.

Communication flash n°6

Dr Gilles LABESSE

Centre de Biologie Structurale

29 Rue de Navacelles, 34090 Montpellier

Amarrage de ligands dans des modèles Alphafold

Knowledge of protein-ligand complexes is essential for efficient drug design. Virtual docking can bring important information on putative complexes but it is still far from being simultaneously fast and accurate. Receptors are flexible and adapt to the incoming small molecules while docking is highly sensitive to small conformational deviations. Conformation ensemble is providing a mean to simulate protein flexibility. However, modeling multiple protein structures for many targets is seldom connected to ligand screening in an efficient and straightforward manner. @TOME-3 is an updated version of our former pipeline @TOME-2, in which protein structure modeling is now directly interfaced with flexible ligand docking. Sequence-sequence profile comparisons identify suitable PDB templates for structure modeling and ligands from these templates are used to deduce binding sites to be screened. In addition, bound ligand can be used as pharmacophoric restraint during the virtual docking. The latter is performed by PLANTS while the docking poses are analysed through multiple chemoinformatics functions. This unique combination of tools allows rapid and efficient ligand docking on multiple receptor conformations in parallel. The use of this server to optimize Alphafold models prior to ligand screening will be discuss. @TOME-3 is freely available on the web at <https://atome.cbs.cnrs.fr>.

Communication flash n°7

Pr. Alexandre VARNEK

UMR 7140 Chimie de la matière complexe

SynPlanner - un nouveau outil de retrosynthèse

Arrivée à Roscoff

Contacts

Valérie : 06 20 65 70 16

Thomas : 06 17 91 06 05 (si urgence)

Blandine : 06 61 96 81 61 (si urgence)

Stéphane : 06 58 80 17 53 (si urgence)

Lieux d'accueil

Lundi 26 Mai : Hôtel de France salle 3 (HDF3, 1^{er} étage), bâtiment B sur le plan. Le code d'accès vous sera fourni ultérieurement.

2 Rue Albert de Mun, 29680 Roscoff

Mardi 27 Mai : Salle de Conférence de la Station Biologique de Roscoff, bâtiment A sur le plan. 1^{er} étage. Suivre fléchage.

Place Georges Teissier, 29680 Roscoff

Nos Partenaires & Sponsors

FAVART Sébastien



HARDING Mark



BARDOU Carine
& DI-ROLLO Stéphane



BOUDALI Ghislaine



JUNG Marie-Louise



COUILLARD Laurence-Olivier



HOANG Inès



MARQUES Thomas



Conseil général du Finistère



Merci !

Liste des participants

NOM	PRENOM	Unité/Société	MAIL
ALVES DE SOUSA	Rodolphe	LCBPT	Rodolphe.Alves-de-sousa@parisdescartes.fr
AMAND	Séverine	MNHN-MCAM	amand@mnhn.fr
AMBROISE	Yves	SCBM CEA Saclay	yves.ambroise@cea.fr
ARMELAO	Lidia	Consiglio Nazionale delle Ricerche	lidia.armelao@cnr.it
ASSIE	Frédéric	USCBF-CN	frederic.assie@cnrs.fr
BACH	Stéphane	Plateforme KISSf	bach@sb-roscoff.fr
BALLEREAU	Stéphanie	SPCMIB	stephanie.ballereau@univ-tlse3.fr
BARATTE	Blandine	Plateforme KISSf	baratte@sb-roscoff.fr
BARDOU	Carine	Société Dutscher	cbardou@dutscher.com
BARETTE	Caroline	Plateforme CMBA	caroline.barette@cea.fr
BEAUVINEAU	Claire	Institut CURIE CMBC	claire.beauvineau@curie.fr
BOISARD	Caroline	Institut CNRS Chimie	caroline.boisard@cnrs-dir.fr
BONNET	Pascal	ICOA	pascal.bonnet@univ-orleans.fr
BOUDALI	Ghizlaine	Société Fluorochem	ghizlaineb@fluorochem.eu
BOURG	Stéphane	ICOA	stephane.bourg@cnrs.fr
BRODIN	Priscille	CILL	priscille.brodin@inserm.fr
CAROU	Gurvan	EMBRC	gurvan.carou@cnrs.fr
CHIARAVALLI	Jeanne	Institut PASTEUR	jeanne.chiaravalli@pasteur.fr
COMTE	Arnaud	ICBMS	arnaud.comte@univ-lyon1.fr
COUILLARD	Laurence-Olivier	Société MayFair Village	laurence-olivier.couillard@mayfairvillage.io
DANEL	Mathieu	RESTORE	mathieu.danel@cnrs.fr
DELEHOUZE	Claire	Société SeaBeLife	claire.delehouze@seabelife.com
DELTHEIL	Amélie	Plateforme C@PS Paris Saclay	amelie.goudet@cea.fr
DIDIER	Bruno	Laboratoire d'Innovation Thérapeutique	bdidier@unistra.fr
DI-ROLLO	Stéphane	Société Dutscher	sdirollo@dutscher.com
DOUGUET	Dominique	IPMC	douguet@ipmc.cnrs.fr
FAVART	Sébastien	Société BMG LabTech	Sebastien.Favart@bmglabtech.com
FERNANDES	Romain	Centre Gustave Roussy	romain.fernandes@gustaveroussy.fr
FIGADERE	Bruno	BioCIS	bruno.figadere@u-psud.fr
FLOCAN CLIO	Sarah	Institut CURIE CMBC	sarah.flocan@curie.fr
FONTANA	ANGELO	Institut de Chimie Biomoléculaire	afontana@icb.cnr.it
GALZI	Jean-Luc	BSC	galzi@unistra.fr
GUILLARD-SABAS	Marianne	LSO ENSTA	marianne.guillard@ensta-paris.fr
GUILLOU	catherine	ICSN	catherine.guillou@cnrs.fr
HA-DUONG	Tâp	BioCIS	tap.ha-duong@universite-paris-saclay.fr
HARDING	Mark	Société CDD Vault	mharding@collaboratedrug.com
HOANG	Inès	Société MedChemExpress	ines.hoang@medchemexpress.com
HORVATH	Dragos	CMC	dhorvath@unistra.fr
JACTEL	Vincent	CITCOM	vincent.jactel@u-paris.fr

NOM	PRENOM	Unité/Société	MAIL
JOB	Aurélie	ICCF	aurelie.job@uca.fr
JUNG	Marie-Louise	GreenPharma	marielouise.jung@greenpharma.com
KHIAR	Nouredine	Institut de Chimie de Séville	khiar@iiq.csic.es
LABESSE	Gilles	CBS	labesse@cbs.cnrs.fr
LAI	Hong Toan	Centre Gustave Roussy	hongtoan.lai@gustaveroussy.fr
LE CLECH	Mikaël	USCBF-CN	mikael.le-clech@cnrs.fr
LE TOULLEC	Valérie	USCBF-CN	valerie.le-toullec@cnrs.fr
LEROUX	Florence	Plateforme ARIADNE	florence.leroux@pasteur-lille.fr
LITAUDON	Marc	ICSN	marc.litaudon@cnrs.fr
LOUERAT	Frédéric	CRPP	frederic.louerat@crpp.cnrs.fr
MAHUTEAU-BETZER	Florence	Institut Curie CMBC	florence.mahuteau@curie.fr
MARES	Gary	GIP CYROI Unité BIO'R	g.mares@cyroi.fr
MARQUES	Thomas	Société SPT LABTECH	thomas.marques@sptlabtech.com
MARTIN	Delphine	Institut Curie CMBC	delphine.naud@curie.fr
MASSICOT	Fabien	ICMR	fabien.massicot@univ-reims.fr
MAULAY-BAILLY	Christine	MNHN-MCAM	cbailly@mnhn.fr
MENIEL	Blandine	BioCIS	blandine.seon-meniel@universite-paris-saclay.fr
MUNIER-LEHMANN	Hélène	Institut Pasteur	hmunier@pasteur.fr
MUSELLI	Alain	Université de Corse	muselli_a@univ-corse.fr
NAHOUM	Virginie	IPBS - Plateforme PICT	virginie.nahoum@ipbs.fr
NGUYEN	Tran Ngoc Anh	Centre Gustave Roussy	Tranngocanh.NGUYEN@gustaveroussy.fr
PETRIGNET	Julien	SIMBA	julien.petrignet@univ-tours.fr
PIVETEAU	Catherine	Drugs and Molecules for Living Systems	catherine.piveteau@univ-lille.fr
RENEVRET	Patrice	ICMPE	renevret@icmpe.cnrs.fr
RIVA	Sergio	Istituto di Scienze e Tecnologie Chimiche "Giulio Natta" - SCITEC	sergio.riva@scitec.cnr.it
RIVIERE	Matthieu	CEISAM	matthieu.riviere@univ-nantes.fr
ROBERT	Thomas	Plateforme KISSf	trobert@sb-roscoff.fr
ROBIN	Laurent	ICOA	laurent.robin@univ-orleans.fr
ROCHE	Philippe	CRCM	philippe.roche@inserm.fr
ROGNAN	Didier	Laboratoire d'Innovation Thérapeutique	rognan@unistra.fr
SOLEILHAC	Emmanuelle	Plateforme CMBA	emmanuelle.soleilhac@cea.fr
SPERANDIO	Olivier	Pasteur Bioinformatique structural	olivier.sperandio@pasteur.fr
STODEL	Marion	Société EVOTEC	marion.stodel@evotec.com
TRAN	Kiet	USCBF-CN	kiet.tran@enscm.fr
TURQUE	Nathalie	EMBRC	nathalie.turque@sb-roscoff.fr
VARNEK	Alexandre	CMC	varnek@unistra.fr
VERDIE	Pascal	IBMM Plateforme SynBio3	pascal.verdie@umontpellier.fr
VIGNON	Antonin	ICN	antonin.vignon@univ-cotedazur.fr
VILLA	Pascal	PCBIS	pvilla@unistra.fr

WACKERLIG-DAMLE	Judith	Université de Vienne	judith.wackerlig@univie.ac.at
WEISWALD	Louis-Bastien	Institut Baclesse	lb.weiswald@baclesse.unicancer.fr
WONG	Yung-Sing	Département de Pharmacologie Moléculaire	yung-sing.wong@univ-grenoble-alpes.fr
YILDIRIM	Pinar	Laboratoire de Synthèse Organique LSO	pinar.yildirim@outlook.fr

Pour plus d'infos

